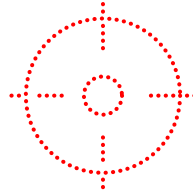


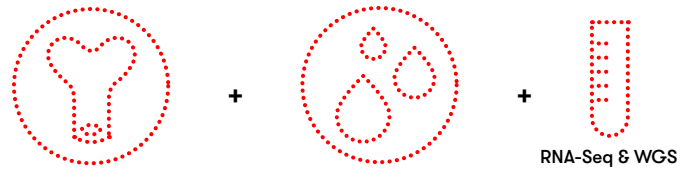
## Ziele

Unsere Vision ist es, die genetischen und molekularen Grundlagen der verschiedenen Leukämien in all ihrer Komplexität zu verstehen und das erworbene Wissen dazu zu nutzen, die Diagnostik weiter zu verfeinern, um somit die bestmögliche Therapie für jeden Patienten gewährleisten zu können.

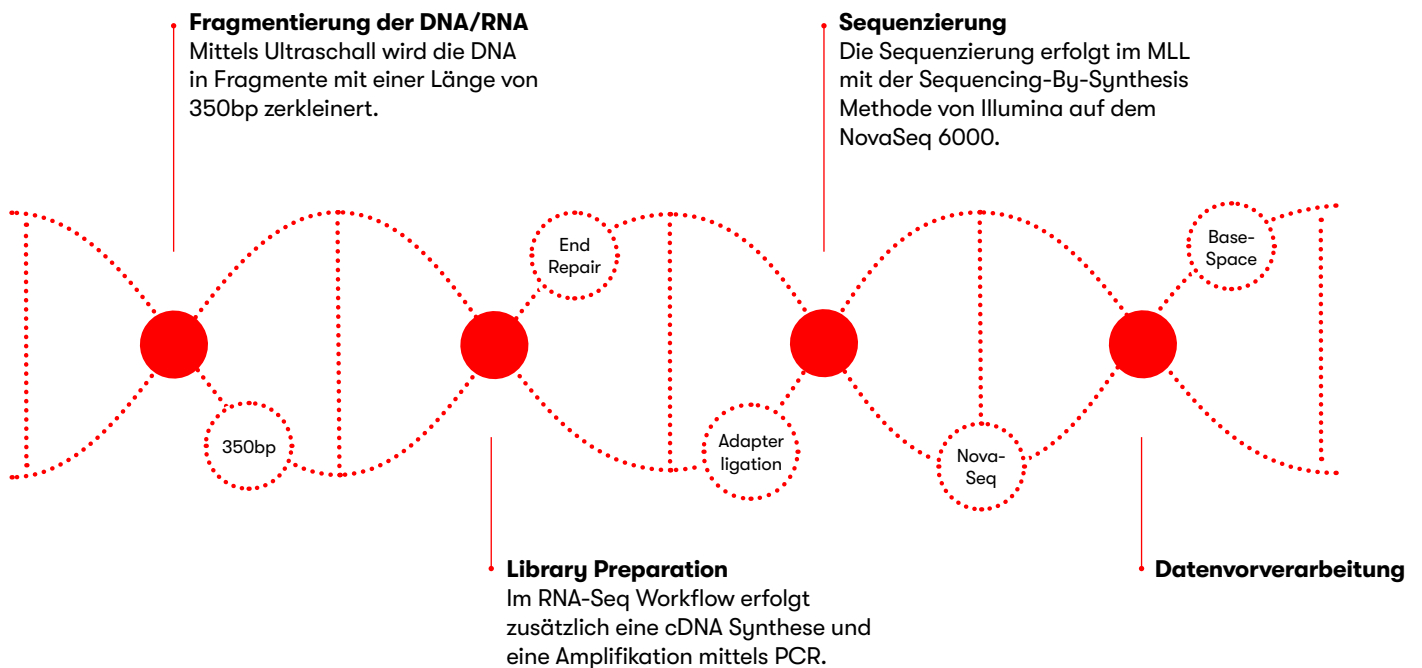


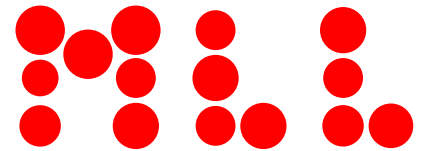
## Material

Durch unsere Biobank haben wir die Möglichkeit auch seltene Leukämien und Lymphome einzuschließen und damit ein sehr breites Spektrum an verschiedenen Entitäten abzudecken. Die für die Analyse notwendige DNA bzw. RNA wird aus Knochenmark- oder Blutproben gewonnen.



## Methodik





---

## Datenspeicherung

Am MLL werden die Daten von den Sequencern direkt in die Amazon Cloud in Frankfurt transferiert. Die WGS und RNA-Seq Daten des 5K Projekts liegen komplett anonymisiert in einer privaten AWS – Domain der Amazon Cloud in Frankfurt.



---

## Datenverarbeitung

Die Vorverarbeitung der Daten erfolgt im Base-Space Sequencing Hub von Illumina und beinhaltet das Alignment, das Variant Calling und bei der Transkriptomanalyse auch die Bestimmung der Counts. Die weitere Filterung und Prozessierung erfolgt mittels in-house Analyse Pipelines.



---

## Kontakt

MLL Münchner Leukämielabor GmbH  
Max-Lebsche-Platz 31  
81377 München